

**Zestaw MutaPLEX® Coronavirus Real Time RT-PCR**  
**(Immundiagnostik AG, Nr kat. KG1926xx)**

**Zestaw MutaPLEX® RespiraScreen 1 Real Time RT-PCR**  
**(Immundiagnostik AG, Nr kat. KG1927xx)**

**Zestaw MutaPLEX® RespiraScreen 2 DIFF Real Time RT-PCR**  
**(Immundiagnostik AG, Nr kat. KG1928xx)**

**Zestaw MutaPLEX® SC2 multi gene Real Time RT-PCR**  
**(Immundiagnostik AG, Nr kat. KG1930xx)**

**Zestaw MutaPLEX® Coronavirus 4G Real Time RT-PCR**  
**(Immundiagnostik AG, Nr kat. KG1936xx)**

**AKTUALIZACJA 26.11.2021**

**Wpływ mutacji, w genie białka szczytowego SARS-CoV-2, na wykrywanie:**

Firma Immundiagnostik AG, wykonała analizę in silico, analizując następujące mutacje genu białka szczytowego, na dostępnych sekwencjach w światowych bazach danych banku genów (NCBI) oraz GISAID (EpiCov™).

Następujące mutacje są uwzględniane w wariantach wzbudzających obawy (VOC)/wariantach wzbudzających zainteresowanie (VOI):

VOC: B.1.1.7 [**Alpha**]\*, B.1.351 [**Beta**], P.1/B.1.1.28 [**Gamma**], B.1.617.2 [**Delta**], AY.4.2 [**Delta**]

VOI: B.1.429 [**Epsilon**]\*, B.1.427 [**Epsilon**]\*, P.2 [**Zeta**]\*, B.1.525 [**Eta**]\*, P.3 [**Theta**]\*, B.1.526 [**Iota**]\*, B.1.617.1 [**Kappa**]\*, C.37 [**Lambda**], B.1.621 [**Mu**], AY.4.2 [...], **B.1.1.529 [Omicron]**

\*Deeskalacja wariantu, według co najmniej jednego z następujących kryteriów: (1) wariant nie występuje już w obiegu, (2) wariant krąży już od dłuższego czasu, bez żadnego wpływu na ogólną sytuację epidemiologiczną, (3) istnieją dowody naukowe, że wariant nie jest powiązany z żadną właściwością wzbudzającą obawy. (ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern)

**Mutacje białka szczytowego SARS-CoV-2:**

L18F, H66D, A67V, A69/70, G75V, T76I, D80A, T95I, G142V, A141, A142, A143, A144, Y144F, Y145D, A157/158, A211, L212I, ins214EPE, D215G, A241/243, A247/253, P337S, F338L, G339D, V341I, F342L, A344S, A348S, N354D, A352S, S359N, V367F, N370S, S371L, A372T, A372S, S373P, S375F, F377L, K378N, K378R, P384L, T385A, T393P, V395I, D405V, E406Q, R408I, Q409E, Q414R, Q414A, Q414E, **K417N**, **K417T**, A435S, W436R, N439K, N440K, K444R, V445F, G446V, G446S, **L452R**, L452O, Y453F, F456L, F456E, K458R, K458Q, E471Q, I472V, G476S, S477R, S477I, S477N, T478I, T478K, P479S, N481D, G482S, V483A, V483I, **E484K**, **E484Q**, **E484A**, G485S, F486S, F490S, Q493R, S494P, G496S, Q498R, P499R, **N501Y**, V503F, Y505C, Y508H, A520V, A520S, P521S, P521R, A522V, A522S, T547K, D614G, H655Y, G669S, Q677H, N679K, **P681H**, **P681R**, R683A, R685A, A701V, N764K, D796Y, F817P, N856K, A892P, A899P, A942P, Q949R, Q954H, N969K, L981F, K986P, V987P, D1118H, V1176F, N1187D

Żadna z powyższych mutacji, nie ma wpływu na czułość i swoistość wymienionych zestawów Real Time RT-PCR.

Miejsce i data wydania: Bensheim, 26.11.2021

Kierownik Działu Biologii Molekularnej: Dr Wolfgang Reichert